

Résultats Appel d'offre PME2016 DIM Analytics

Porteur projet	Titre	Laboratoire
ALASONATI	Développement d'un couplage innovant d'un système de pré-concentration on-line et de la chromatographie en phase gazeuse (CG) à la spectrométrie de masse à plasma induit haute résolution (HR-ICP-MS) : application à la quantification des composés organométalliques	Laboratoire national de métrologie et d'essais (LNE)
BENIDDIR	Sonde et console de dernière génération Avance III HD pour spectromètre RMN 400 MHz	BioCIS UMR 8076 5, Rue J.- B. Clément 92290
CALMELS	Mesure par spectroscopie laser de la teneur en oxygène-17 de la molécule d'eau : un nouvel outil pour l'hydrologie, la paléoclimatologie et la sédimentologie	Laboratoire Géosciences Paris Sud (GEOPS), UMR 8148, Université Paris Sud
DELAUNAY	Aide à l'acquisition d'un spectromètre de masse triple quadripolaire pour la création d'une plateforme d'expertise pour la caractérisation de petites (toxines, métabolites, médicaments, sucres...) et de grosses (protéines, polymères, vaccins...) molécules par couplage de l'électrophorèse capillaire avec la spectrométrie de masse (CE-MS).	Laboratoire de Sciences Analytiques, Bioanalytiques et Miniaturisation, UMR 8231 Chimie, Biologie, Innovation ESPCI
DESBOEUFS	Développement d'une méthode d'analyse en ligne de la fraction dissoute des métaux traces dans les aérosols atmosphériques	LISA (Laboratoire Interuniversitaire des Systèmes Atmosphériques) UMR 7583 Créteil
DILLMANN	DEXCIN (DEtecteur X pour études CINétiques)	LAPA NIMBE UMR3685 CEA Saclay
GELEOC	Miniaturisation d'une source d'électron pulsée non radioactive : vers des méthodes d'analyses résolues en temps simplifiées	Laboratoire Interactions, Dynamiques et Lasers UMR 9222 CEA Saclay
LARDY-FONTAN	Plateforme analytique chromatographie ionique-spectrométrie de masse haute résolution à l'interface environnement_sante	Laboratoire national de métrologie et d'essais (LNE)
MUGHERLI	La micro-rhéologie laser pour le développement de microsystèmes analytiques incorporant des matériaux poreux innovants.	NIMBE/LEDNA UMR 3685 CEA Saclay
VERDIER	Optimisation de la purification et l'ionisation des IgG humaines spécifiques pour la détection des polymorphismes des fragments Fc/2 à l'aide de spectrométrie de masse middle down pour l'analyse ciblée	Spectrométrie de Masse Biologique et Protéomique USR3149 ESPCI Paris

